

論文の内容の要旨

論文題目 **HOST RANGE DETERMINATION OF POLIOVIRUS**

和 訳 ポリオウイルス種特異性に関する研究

指導教官 野本明男 教授

東京大学大学院医学系研究科

平成9年4月入学

医学博士課程

病因・病理学専攻

氏名 賈 慶梅

ポリオウイルスは、霊長類のみに感染する。マウスなど霊長類以外の動物には感染は成立しない。ポリオウイルスの種特異性を決定しているのはポリオウイルス受容体 (poliovirus receptor, PVR) の存否であると考えられている。事実、ヒトPVR遺伝子を持つトランスジェニック (Tg) マウスはポリオウイルスに感受性である。ポリオウイルス粒子は、60 コピーずつの4種類のカプシド蛋白質 (VP1、VP2、VP3、およびVP4) からなり、直径約30 nmの正20面体構造である。本研究では、ポリオウイルスの種特異性を担うウイルス側要因を分子レベルで解明することを目的とした。

マウス脊髄適応変異株 SA の分離 種特異性の異なるポリオウイルス変異株を分離するために、光感受性ポリオウイルス1型 Mahoney 株をマウスの脳内に接種した。通常感染は成立しないが、大量にウイルスを接種すると、稀にマヒが観察される。麻痺を起したマウスの脊髄から、ウイルスを回収し、SA株と命名した。SA株はMahoney株より、培養細胞で小さなプラークをつくる。SA株のマウスに対する神経毒性試験を行った結果、SA株は脊髄内接種した時のみ、マウスにマヒを生じさせ、LD₅₀は 1.25×10^3 plaque forming unit (PFU) であった。興味深いことに、 10^7 PFUのSA株を脳内に接種しても神経毒性は発現しなかった。

実際に SA 変異株はマウスの脳内では増殖しないことも明らかにした。この結果は、脳内接種したポリオウイルスの脊髄への伝播には、脳内で増殖することが必要条件である可能性を示している。Tg マウスに対する SA 株の神経毒性は、どの接種法によっても観察された。一方、SA 株は non-Tg マウスの脊髄内では増殖し、ウイルスの抗原も検出された。その分布は Tg マウスに Mahoney 株を接種した場合同様、神経細胞特異的であった。以上の結果から、SA 株の形質はウイルスのゲノム上に起こった変異によって、獲得したものであり、マウス脊髄の神経細胞表面分子をレセプターとして利用できるようになったと予想された。この分子はマウスの脳内では発現していないことが示唆された。

SA 変異株の形質を決定している変異 SA 変異株の形質を決定している変異を明らかにする目的で、SA 株ゲノムの全一次構造を決定した。Mahoney 株ゲノムの全一次構造と比較したところ、9 箇所にて点突然変異が存在することが明らかになった。これらの変異部位は P1 カプシド蛋白質領域に 3 箇所存在し、P2 および P3 領域にも 3 箇所ずつ存在した。点突然変異のうち、3 箇所はアミノ酸変化を伴うものであり、それらはウイルスカプシド蛋白質 VP4, VP1, および非カプシド蛋白質 2C のアミノ酸配列の中にそれぞれ 1 箇所ずつ存在していた。どの変異が SA 変異株の形質獲得に重要な変異であるかを調べるため、Mahoney 株と SA 株の感染性 cDNA クローンを利用し作製した両株間の組換え体ウイルスのマウスにおける神経毒性試験を行った。その結果、塩基番号 928 の A→G の変異のみによって、SA 株の形質が決定されていることが明らかになった。この塩基の変異の結果、VP4 上の 62 番目のアミノ酸残基 (VP4062) Ile が Met へと置換していると考えられた。以上の結果により、VP4062 のアミノ酸変化はマウスの脊髄内神経細胞の表面分子をレセプターとして認識する重要な変異であることが明らかとなった。VP4062 は、PVR 結合部位からは離れた位置にあり、粒子内部に存在するアミノ酸残基である。

ポリオウイルスの PVR 認識に関する解析 ポリオウイルスの PVR 認識に関するメカニズムをさらに解析するために、VP4062 のみに変異を持つウイルス (Mah/SA-VP4) を培養細胞

系で継代し、その中からプラークサイズを指標として、復帰変異株 (large plaque revertant) を分離した。14個の復帰変異分離株のうち、11個株は、塩基番号 928 が Mahoney 型に back mutation を起しており、マウスに対する神経毒性を示さなかった。残りの3個の株 (LP8、LP9 および LP14) の塩基番号 928 の塩基は SA 型のままであったが、脊髄内接種による、マウス神経毒性を示さなかった。そこで、LP8、LP9、および LP14 のゲノム一次構造を決定し、さらに、Mah/SA-VP4 との組換え体ウイルスのプラークサイズ測定およびマウス神経毒性試験により、復帰変異株の形質を決定する重要な変異を同定した。それらは LP8 では VP3 上のアミノ酸番号 231 (Ile→Thr), P9 では VP1 上のアミノ酸番号 107 (Val→Leu), および LP14 では VP2 上のアミノ酸番号 33 (Val→Ile) の変化であった。これらのアミノ酸残基の粒子立体構造上での位置は様々であった。以上の結果により、これらのアミノ酸残基が VP4062 のアミノ酸残基と PVR 認識機能上で相互作用を持つことが明らかになった。すなわち、PVR 認識には、ポリオウイルスの4種類のカプシド蛋白質で形成される粒子立体構造全体が重要に機能していることを示す結果である。