論文の内容の要旨

論文題目 Ring Finger Protein 43 (RNF43) についての免疫原性の解析

指導教官 田原秀晃 教授

東京大学大学院医学系研究科

平成13年4月入学

医学博士課程

外科学専攻

氏名 内田尚孝

[背景] 細胞傷害性 T 細胞(CTL)は、標的細胞の HLA-Class I 上に呈示される腫瘍抗原由来のペプチドを認識して傷害活性を示す。ヒトの腫瘍抗原の存在は、T. Boon 博士らが、メラノーマの腫瘍抗原である MAGE-1 の遺伝子をクローニングすることによってはじめて証明された。以来、腫瘍反応性の T 細胞や抗体といった免疫学的方法を用いて MART-1, gp100, SART-1, NY-ESO-1 などの腫瘍抗原が発見されている。また、腫瘍に高発現する遺伝子としてすでに知られている p53、HER2/neu, CEA などの分子も腫瘍抗原となりうることも報告されてきた。最近、これらの腫瘍抗原由来のエピトープペプチドを用いた臨床試験が多くの施設で実施され始めている。しかし、現在までに発見されている腫瘍抗原は、主にメラノーマ関連であり、患者数の多い上皮性悪性腫瘍において発見された腫瘍抗原の数は限られている。また、腫瘍の悪性クローンを効率的に破壊でき高い治療効果をもたらす腫瘍抗原は未だ発見されておらず、有効な治療法とするためには新規腫瘍抗原の同定が必要であると考えられている。近年、cDNA マイクロアレイ法の発達により、腫瘍細胞における遺伝子発現情報を包括的に探索することが可能になってきた。すなわち、正

常細胞と腫瘍細胞で異なる発現パターンを示す遺伝子群が網羅的に同定でき、腫瘍細胞の遺伝子発現形式が明らかになってきた。理想的腫瘍抗原とは、腫瘍特異的に高頻度に高発現するが、正常細胞での発現がないといった発現特異性を示し、腫瘍の悪性形質に関与する機能をもち、高い免疫原性を有する分子であると考えている研究者は多い。そこで、cDNA マイクロアレイ法で大腸癌に高頻度に高発現することが既に判明している Ring Finger Protein 43 (RNF43)に関して、T細胞が認識するエピトープペプチドを同定し、その免疫原性を解析したのでここに報告する。

[方法・結果] 23040個の遺伝子を対象としたcDNAマイクロアレイ法で腫瘍細胞に高頻度に高発現し、正 常細胞には胎児肺、胎児腎以外発現しないことが既に判明しているRNF43について、その免疫原性の解析 を行った。HLA-A*0201またはHLA-A*2402に結合性を示すRNF43エピトープペプチド候補は、 Bioinformativs and molecular Analysis section(BIMAS) prediction softwareを用いて予測した。予測し た9mer及び10merエピトープペプチド候補の内、HLA結合性が高い順に、各々のHLA型毎に10種類ずつ 合成した。これらのエピトープペプチド候補をパルスした樹状細胞(DC)を用いてin vitroでCTLの誘導を行 うことにより免疫原性を検定した。その結果、HLA-A*0201拘束性RNF43-11(IX)(ALWPWLLMA)及び HLA-A*0201拘束性RNF43-11(X)(ALWPWLLMAT)、HLA-A*2402拘束性RNF43-721(NSQPVWLCL) エピトープペプチド刺激により、各々当該ペプチドをパルスした標的細胞に強力な細胞傷害活性を認める CTLクローンを樹立することができた。 これらのCTL クローンは、RNF43を内因性に発現し、かつ当 該HLAを保持している大腸癌細胞株に対しても高い細胞傷害活性を示した。細胞傷害活性の特異性は、 Cold Target Inhibition Assay および抗体による阻害試験によって確認した。RNF43-11(IX)、 RNF43-11(X)は、配列がC末端アミノ酸1つを除き重複しているが、それぞれから樹立したCTLクローンは、 各ペプチドをパルスした標的細胞に対し異なる反応性を示したことにより、異なるTCR(T細胞レセプタ ー) をもつ可能性が示唆された。以上より、RNF43-11(IX)、RNF43-11(X)、RNF43-721ペプチドは、 RNF43を発現する腫瘍細胞表面にHLA分子と共に呈示されるエピトープペプチドであることが証明され た。同定されたRNF43-11(IX)、RNF43-11(X)、RNF43-721エピトープペプチド配列は、ホモロジー検索 の結果、RNF43固有のものであった。また、RNF43を発現する腫瘍を持つ大腸癌患者から採取した末梢血 より、RNF43-11(IX)、RNF43-721エピトープペプチドを認識するCTLが誘導可能で、それらを認識するCTLラインは、ペプチドをパルスした標的細胞のみならず、RNF43を内因性に発現し、HLAが一致する大腸癌細胞株に対しても高い細胞傷害活性を示した。

〔考察〕腫瘍特異的免疫反応を誘導することができる新規腫瘍抗原の同定は、様々な癌種に対する効果的 なペプチドワクチン療法の開発に重要である。現在多くのヒト腫瘍抗原は免疫学的方法によって同定され ているが、大腸癌をはじめ患者数の多い上皮性悪性腫瘍における腫瘍抗原の数は限られているのが現状で ある。これは、免疫学的方法が時間・労力のかかる技術を必要とすることや SEREX 法で同定された腫瘍 抗原が必ずしも細胞性免疫の標的分子にならないことが一因となっている。今回、包括的遺伝子発現解析 で理想的な発現様式を持つことが既に判明している分子について免疫原性の解析を行った。cDNA マイク ロアレイ法で大腸癌に高発現することが既に判明している分子の中で、RNF43について、その免疫原性の 解析を行った。腫瘍抗原が腫瘍細胞で高発現する必要性は、腫瘍抗原が高い抗原性を有するために重要で ある。すなわち、RNF43 は、理想的な腫瘍抗原候補の発現様式条件を満たしているといえる。RNF43 の 免疫原性を検証するために Reverse Immunology と呼ばれる方法を用いた。その際、的確にエピトープペ プチドを同定するためには、免疫学的に抑制状態になっている可能性が高い癌患者の末梢血を用いるのは 困難である。したがって、健常人末梢血から CTL を誘導し RNF43 の免疫原性を証明することは重要であ る。HLA-A02 拘束性ペプチドでは、RNF43-11(IX)(ALWPWLLMA)及びRNF43-11(X)(ALWPWLLMAT) により、HLA-A24 拘束性ペプチドでは、RNF43-721(NSQPVWLCL)により、各々のペプチドパルスした 標的細胞のみならず RNF43 を内因性に発現し HLA が一致する大腸癌細胞株に対しても特異的で強い細胞 傷害活性を示す CTL クローンを樹立できた。これらの結果は、RNF43 が免疫原性を持ち、RNF43-11(IX)、 RNF43-11(X)、RNF43-721 ペプチドが、RNF43 蛋白由来のエピトープペプチドであることを示唆してい る。健常人末梢血において CTL 誘導が可能であったことは、同定したペプチドに反応する CTL 前駆細胞 がヒト成人においても保持されており、この分子には免疫原性があることが明らかになったと考える。す なわち、RNF43は、大腸癌の腫瘍抗原であることを示唆している。ホモロジー検索の結果、RNF43・11(IX)、 RNF43-11(X)、RNF43-721 ペプチド配列は、RNF43 固有のものであり、抗原交差反応を起こす可能性は 極めて低いことが判明した。よって、これらのエピトープペプチドによって誘導される CTL は、腫瘍特異 的であると考えられ、ペプチドワクチン療法として臨床応用する際、正常細胞を傷害することによる副作 用発生の可能性は低いと考えられる。健常人の免疫学的状態とこの分子を多量に発現する腫瘍を持つ担癌 患者の状態とは異なる可能性があり、腫瘍抗原に反応する CTL が実際に癌患者の体内に存在することを証 明することは癌ワクチン療法において重要である。RNF43発現のある大腸癌を持つ患者の末梢血単核球を、 同定したエピトープペプチドにより in vitro にて刺激することによりペプチド特異的な CTL を誘導できた。 この結果により、癌患者において、RNF43 由来エピトープペプチドに対する CTL は十分検出しうる頻度 で存在し、細胞傷害活性能を有している場合のあることが判明した。しかし CTL が誘導できない癌患者も 存在した。この結果により、RNF43 に対する CTL の頻度が少ない可能性、癌患者では腫瘍組織から分泌 される種々の免疫抑制物質により免疫担当細胞の機能が低下している可能性が考えられる。以上の結果よ り、RNF43 は臨床応用可能なエピトープペプチドを有する新規腫瘍抗原であることが示された。しかし、 今回の研究では、生体へのペプチド投与によりエピトープペプチド特異的な CTL が誘導され、抗腫瘍効果 を示すか否かは明らかになってはいない。最終的には、臨床試験による結果の解析が重要である。現在、 これらの結果を元にした RNF43 エピトープペプチドを用いた第 I 相臨床試験を施行中であり、基礎的研究 の成果を反映した結果が期待される。また、現在までに、この網羅的遺伝子発現解析を利用した手法によ り、大腸癌で RNF43 を含め 2 分子、胃癌で 2 分子、肺癌で 3 分子を腫瘍抗原として同定しており、肝癌、 前立腺癌、膵癌、乳癌における腫瘍抗原の同定も進めている。今後、この方法により多くの癌種において、 複数の新規腫瘍抗原とそれを用いた特異的癌免疫療法の開発が期待される。